

CROWN BIOSCIENCE

Together with **MBL**

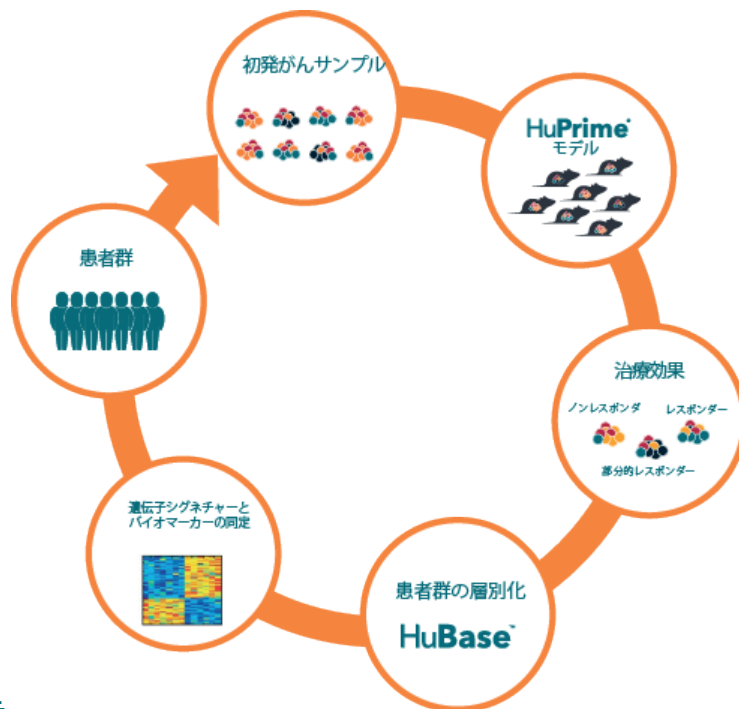
HuSignature™

患者層別化による創薬開発の改善

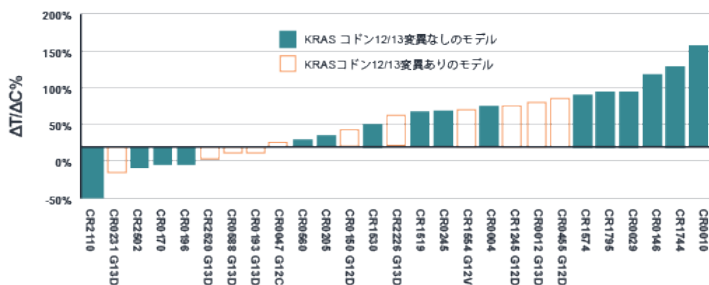
広範な HuPrime® 患者腫瘍移植モデル(PDX)モデルコレクションを利用して、遺伝子シグネチャーを検出、検証します。

HuSignature を利用することで、注目すべき遺伝子の特徴に一致するモデル、またはレスポナーとノンレスポナーのモデルを見つけることができます。豊富で多様なヒト代替モデルであるPDXのコレクションから薬剤有効性試験に即座に利用できるモデルを選択できます。

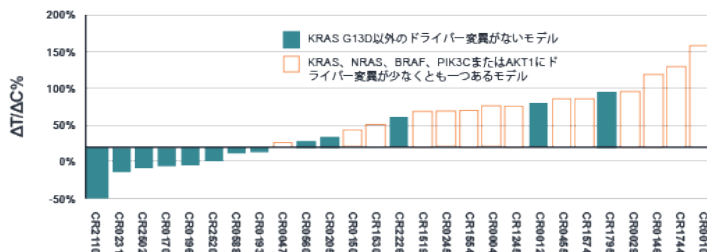
- 薬剤応答に関連する遺伝子シグネチャーまたはパスウェイを確認、検証する。
- 患者のレスポナーとノンレスポナーを層別化するために、「フェーズII的」なマウスを用いた試験(HuTrial)を実施する。
- 潜在的バイオマーカーの応答性を明らかにする。
- 既存薬の新たな応答性を特定する。
- 既存の治療法のライフサイクルを管理する。
- 患者検体の関連変異を持つ多様な PDX コレクションは常に増加している。



KRAS 変異及びその他がん遺伝子変異を有する CRC PDX モデルを用いたセツキシマブに対する応答の比較



CR2110における野生型 vs 変異型の比較



野生型/KRAS G13D と KRAS G12 C/D/V、Q61X、A146T 変異、あるいは NRAS Q61X、AKT1 L52R、PIK3CA E545K / Q546L、BRAF V600E にドライバー変異を有するモデルの比較

