

**CROWN
BIOSCIENCE**
Together with **MBL**

ゲノミクス関連サービス

前臨床試験のための、高度な最新ゲノムデータ解析サービス

次世代シーケンシング (NGS) とデータ解析プラットフォームを利用し、前臨床試験のデータと合わせることで、科学的判断に基づいた意思決定が可能です。

信頼性の高い経験豊富なゲノミクスサービス:

- PCR、リアルタイムPCR、NGSを含んだ高感度シーケンシング手法で創薬研究の深い洞察が得られます。
- 核酸抽出、シーケンシング、バイオインフォマティクス分析、レポート作成およびデータ視覚化によるend-to-endのサポートで、タイムラインを加速させます。
- ゲノミクスを既存のin vitroまたはin vivoサービスに統合することにより、前臨床ワークフローを合理化します。
- NGSによって解析された大規模なデータベースを利用して、多くのモデルに関するデータセットを活用できます
- 生細胞および凍結細胞や組織、FFPE、生検、口腔スワブなど、さまざまな種類のサンプルを利用できます。
- 先進的なゲノム分析で、薬剤のメカニズムを調べ、検証します
- 前臨床サンプルを分析して、過去のデータセットを活用し、独自のバイオマーカー探索アルゴリズムを適用することにより、薬剤応答に関連する遺伝的特徴を特定します。

- 腫瘍と免疫細胞の間の免疫関連のゲノミクス情報を解明することにより、薬剤耐性機構を理解することができます。

- Mouse I/O RNA-Seq Panel を使用し、同一サンプルから1080の転写産物を測定します。がん免疫に関連遺伝子の包括的な解析によりがん免疫に関連する遺伝子の働きを理解します

2タイプの安全かつ利便性の高いレポートオプションから選択が可能です:

- タイプ1: FASTQ (生データ)
- タイプ2: FASTQ、処理済データ (遺伝子発現、変異、コピー数、融合遺伝子) および総合レポート
- どちらのタイプにもコンサルテーションが含まれます。
- Amazonウェブサービスを介してデータを安全に転送します。
- サービス料金には1年間のデータストレージサービスが含まれています。
- 長期的なデータストレージも提供可能です。

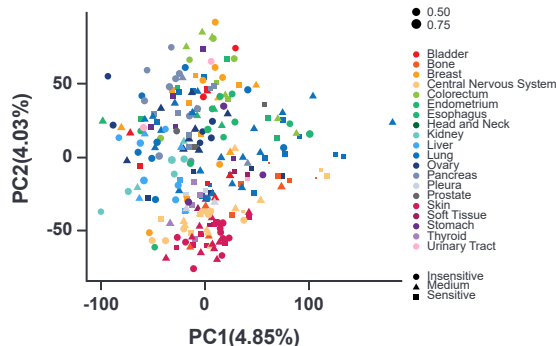
含まれる機能的なアノテーション



- | | | |
|------------------------------|-----------------------|-------------------------|
| Bc cells* | M-MDSCs* | Memory T cells |
| Dendritic cells* | Neutrophils | Th1 cells |
| Tolerogenic DCs | Natural killer cells* | Th2 cells |
| Macrophages* | CD4 T cells* | Th17 cells |
| Tumor-associated macrophages | CD8 T cells* | T _{reg} cells |
| G-MDSCs* | Naive T cells | iT _{reg} cells |

*Strain specific gene signatures available for C57BL/6 and BALB/c

細胞株におけるグローバルな遺伝子発現プロファイル



生物学的プロセスにおける遺伝子オントロジー分析

