

完整组织样本：解析全转录组及 570 余种蛋白

本平台支持多种样本类型，包括完整组织切片、组织微阵列（TMA）、类器官，可单独或同步检测全转录组与 570 余种蛋白靶点。无论是挖掘新型生物标志物，还是开展科研假设验证，GeoMx DSP 都是值得信赖的空间生物学研究平台。

报告与数据分析

GeoMx® 数据分析套件（DSPDA）可将定量数据与空间位置信息联动整合，保障实验流程高效运转。我方生物信息学团队会审核所有项目的质控数据，并出具标准分析报告。若您需要深度数据挖掘，我们也可提供定制化数据分析服务，满足个性化研究需求。

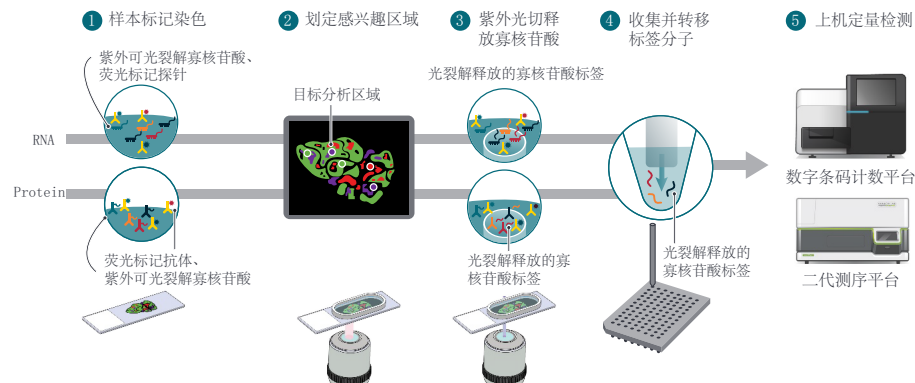
GeoMx DSP 可开展哪些研究？



GeoMx DSP 带来的研究突破



实验工作流程



灵活的感兴趣区域 (ROI) 选取方案

依托多样化的感兴趣区域 (ROI) 分析策略, 可精准解答各类真实生物学研究问题。ROI 选取以组织形态学为判定依据, 帮助科研人员精准选定目标组织分区或细胞群开展分子图谱检测。冠科生物配备专职空间多组学实验团队, 全程与研究者紧密协作, 在 ROI 划定阶段提供专业技术指导, 同步解答各类实验疑问与技术顾虑。



几何选区分析

可绘制任意几何形状选区, 对不同组织区域开展特征图谱解析。



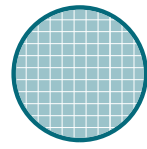
分区轮廓分析

在同一感兴趣区域 (ROI) 内识别并单独解析各类独立生物学功能分区。



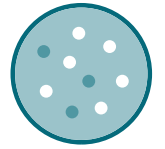
放射环带轮廓分析

采用多层放射状 ROI 环带, 探究空间邻近关系如何影响生物学应答, 以及核心结构周边的局部微环境特征。



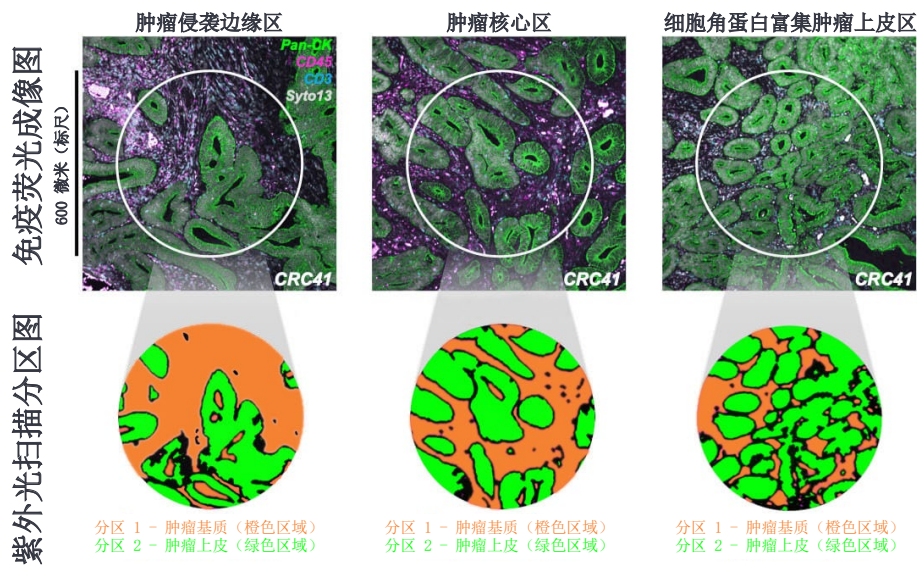
网格全域图谱分析

采用可调节密度的网格分区模式, 实现全组织高精度空间分子图谱绘制。



细胞亚型特异性分析

依托细胞特异性形态标志物分群, 解析不同细胞亚群的分子功能特征。



GeoMx RNA 与蛋白检测总览

RNA 检测

- 人 / 小鼠全转录组图谱: 覆盖全部蛋白编码基因, 适用于全方位空间生物学分析。
- TCR 检测拓展模块: 可搭配全转录组图谱、肿瘤转录组图谱使用, 实现 T 细胞受体 (TCR) 的空间表达分析。
- 肿瘤转录组图谱: 专注于肿瘤生物学深度解析, 单张组织切片可分析 1800 余个目标基因。
- 免疫通路检测试剂盒: 聚焦肿瘤及周边微环境的靶向分析, 单张切片最多可检测 96 个 RNA 靶点。

蛋白检测 (nCounter 读数平台)

- 免疫肿瘤学 & 免疫学检测: 基础靶点共 18 个 (小鼠样本为 17 个), 可广泛应用于各类细胞分析; 还可额外增设 60 个自选靶点与 10 个定制靶点, 适配个性化研究。
- 神经科学检测: 基础靶点共 20 个 (小鼠样本为 19 个), 支持广谱细胞分析, 可额外增设 60 个自选靶点与 10 个定制靶点, 满足专项研究需求。



GeoMx 免疫肿瘤蛋白质组图谱 (IPA)

依托经免疫组化 (IHC) 验证的 Abcam 人源抗体组合, 借助 GeoMx 免疫肿瘤蛋白质组图谱 (IPA), 助力免疫肿瘤研究迈向新高度。这款前沿空间蛋白质组学试剂盒可同时检测 FFPE 组织与新鲜冷冻组织, 为转化医学领域的生物标志物挖掘开辟全新方向。

GeoMx IPA 核心优势

- 对不同组织区域的570 余种蛋白进行非破坏性检测分析
- 检测数据维度远优于传统免疫组化 (IH)、免疫荧光 (IF) 技术
- 兼容主流组织学实验流程

借助该项技术, 可深度解析各类组织微环境与细胞类型, 帮助研究人员更透彻地理解肿瘤免疫应答机制, 挖掘潜在治疗方案, 广泛应用于免疫学、肿瘤学等多个研究领域。

如需了解更多空间分析试剂盒相关信息, 欢迎访问我们的官方网站。

联系我们



太仓分公司: +86 512 5387 9999
北京分公司: +86 10 5633 2600
苏州分公司: +86 512 6799 3717

ChinaBD@crownbio.com
www.crownbio.cn

扫描二维码
添加冠科生物小助手

